

Полиморфизм (rs7096206 и rs7095891) в гене *MBL2* в популяциях Крайнего Севера

Смольникова М.В., Каспаров Э.В., Афоничева К.В., Милейко А.Г., Терещенко С.Ю. smarinov@yandex.ru

Научно-исследовательский институт медицинских проблем Севера – обособленное подразделение ФГБНУ «Федеральный исследовательский центр «Красноярский научный центр Сибирского отделения Российской академии наук», Красноярск



ФЕДЕРАЛЬНЫЙ ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКИЙ ЦЕНТР
«КРАСНОЯРСКИЙ НАУЧНЫЙ ЦЕНТР
СИБИРСКОГО ОТДЕЛЕНИЯ РОССИЙСКОЙ АКАДЕМИИ НАУК»

РЕЗУЛЬТАТЫ

- Генотип XX rs7096206 чаще встречается у ненцев относительно русских.
- Генотип PP rs7095891 чаще встречается у ненцев по сравнению с русскими.
- Среди долган-нганасан статистически значимых отличий не выявлено.

ЗАКЛЮЧЕНИЕ

Высокая распространенность респираторных патологий у коренных народов Севера частично объясняется сниженной функцией лектинового пути из-за генетических вариантов *MBL2* [2].

АКТУАЛЬНОСТЬ

Заболевания бронхолегочной системы, включая бронхиальную астму (БА), — проблема здоровья народов Крайнего Севера. Дефицит маннозосвязывающего лектина (MBL), участвующего в опсонизации респираторных патогенов, коррелирует с инфекциями — причинами обострений БА. Однонуклеотидные полиморфизмы гена *MBL2* (SNP)— фактор риска мультифакториальных патологий [1].

МАТЕРИАЛЫ И МЕТОДЫ

В исследовании участвовали 365 детей (ненцы = 261; долган-нганасаны = 104, русские с БА = 400). Группу сравнения составили 229 детей без хронических заболеваний. Определение вариантов полиморфизмов (rs7096206, rs7095891 *MBL2*) проводили методом ПЦР в режиме реального времени.

ВЫВОДЫ

Ненцы имеют более высокую частоту дефицитных вариантов *MBL2* (rs7096206, rs7095891) по сравнению с русскими ($p < 0,05$). Дефицит MBL приводит к нарушению клиренса патогенов, что приводит к развитию инфекций и является причиной обострений БА.

Таблица. Частоты дефицитных вариантов полиморфизмов *MBL2* в популяциях, %.

SNP	Генотип	Ненцы	Русские
rs7096206	XX	75,5	58,3
rs7095891	PP	79,7	70,2