

## КУРСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ МЕДИЦИНСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ НИИ ГЕНЕТИЧЕСКОЙ И МОЛЕКУЛЯРНОЙ ЭПИДЕМИОЛОГИИ

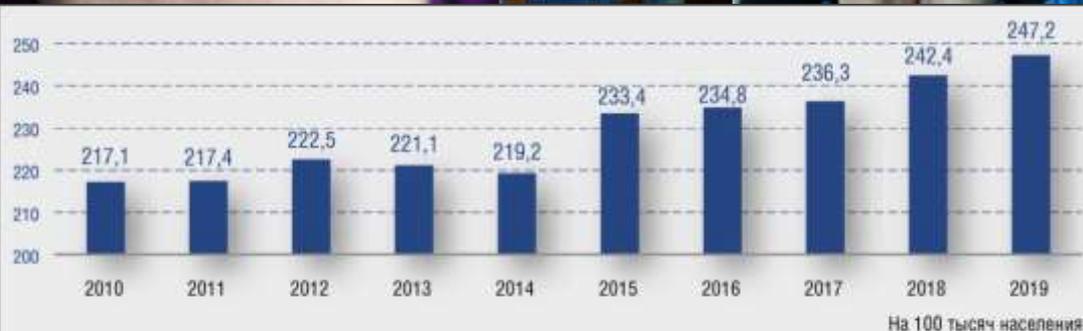
# Полиморфные варианты гена глутатион-S-трансферазы P1 (*GSTP1*) как генетические маркеры предрасположенности к псориазу в российской популяции

Саранюк Р.В., Бушуева О.Ю., Полоников А.В.

# Актуальность

❑ Псориаз является одним из самых распространенных хронических дерматозов с частотой встречаемости 0.27% - 11.4% в мире

❑ В Российской Федерации заболеваемость псориазом составляет 247,2 случаев на 100 тыс. населения



# Материалы и методы исследования

## Образцы ДНК

944 неродственных индивидов славянского происхождения, проживающих на территории г.Курска и Курской области, включая 474 пациентов с псориазом, включая 270 мужчин, 239 женщин и 470 относительно здоровых индивидов



<i>GSTP1</i>
<i>rs1790753</i>
<i>rs1695</i>
<i>rs749174</i>
<i>rs1138272</i>

Образцы ДНК пациентов были выделены из замороженной венозной крови методом фенольно-хлороформной экстракции и преципитации этанолом. Молекулярно-генетические исследования, включая генотипирование SNPs, были выполнены на базе НИИ генетической и молекулярной эпидемиологии КГМУ в 2021-2022 гг. Определение SNPs проводилось помощью технологии iPLEX посредством мультиплексного генотипирования на генетическом анализаторе MALDI-TOF MassARRAY 4 производства Agena Bioscience (США). Подготовка образцов к масс-спектрометрическому анализу осуществлялась путем мультиплексной полимеразной цепной реакции на амплификаторе CFX96. Для подбора набора праймеров и формирования ПЦР-мультиплекса для генотипирования SNPs использовали программное обеспечение MassARRAY Assay Design Suite. Праймеры для iPLEX генотипирования были синтезированы в ЗАО Евроген г. Москва.

## Результаты исследования

При анализе общих групп пациентов установлено, что SNP *rs1790753* ассоциирован с повышенным риском развития псориаза ( $OR=1,41$   $95\%CI1,01-1,98$   $P_{perm}=0,04$ ). Анализ ассоциаций, выполненный отдельно по полу, показал, что данный генетический вариант связан с повышенным риском развития болезни у женщин ( $P_{perm}=0,006$ ), в то время как у мужчин ассоциация данного маркера с болезнью не наблюдалась

## Выводы

Настоящим исследованием впервые установлено, что полиморфизм *rs1790753* гена *GSTP1* может рассматриваться в качестве генетического маркера предрасположенности к псориазу.

Дальнейшие исследования в других популяциях необходимы для подтверждения выявленной нами ассоциации полиморфизма *rs1790753* гена *GSTP1* с псориатической болезнью.